

EVOLUÇÃO DA MASSA SECA DE FRUTOS E GRÃOS DE *COFFEA CANEPHORA* AO LONGO DO PROCESSO DE MATURAÇÃO



Henzo P. Salvador • Fábio L. Partelli • José C. Ramalho • José N. Semedo • Miroslava Rakocevic

OBJETIVO

O objetivo foi determinar o acúmulo de matéria seca em grão ao longo do processo de maturação em seis genótipos comerciais de café Conilon.

MATERIAL E MÉTODOS

Os genótipos selecionados foram: Pirata, Bamburral, A1, Clementino, Beira Rio 8 e P1. A coleta dos frutos iniciou-se no final do estágio de enchimento de grãos, com 33 semanas após a florada principal (SAF), e ocorreu a cada 14 dias (33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47, 49 SAF).

RESULTADOS, DISCUSSÃO E CONCLUSÕES

A massa seca de grãos (MSG) mostrou uma alta taxa de acúmulo durante o período de pré-maturação, de 33 até 41 SAF, quando o aumento da MSG foi superior a 70% na média de todos os genótipos (**Figura 1**).

Os maiores valores nos genótipos Pirata, Bamburral, A1, Clementino e Beira Rio 8 ocorreram quando os frutos estavam totalmente maduros, entre 43 e 47 WAF. O genótipo P1 apresentou comportamento diferente, sendo o ganho de MSG prolongado até o último período de coleta, devido ao seu ciclo de maturação tardio.

Após atingir a maturação completa e um valor máximo no peso, os grãos começam a perder peso, isso se deve ao fato de ocorrer degradações normais decorrentes de processos de pós maturação

Considerando que o objetivo final da produção de café é o grão processado, o período ideal de colheita dos frutos é quando foi possível obter a maior MSG, que foi entre 43 e 47 SAF para os genótipos Pirata, Bamburral, A1, Clementino e Beira Rio 8 e 49 SAF para o genótipo P1 (**Figura 1**), período em que coincide com o pico de maturação dos frutos.

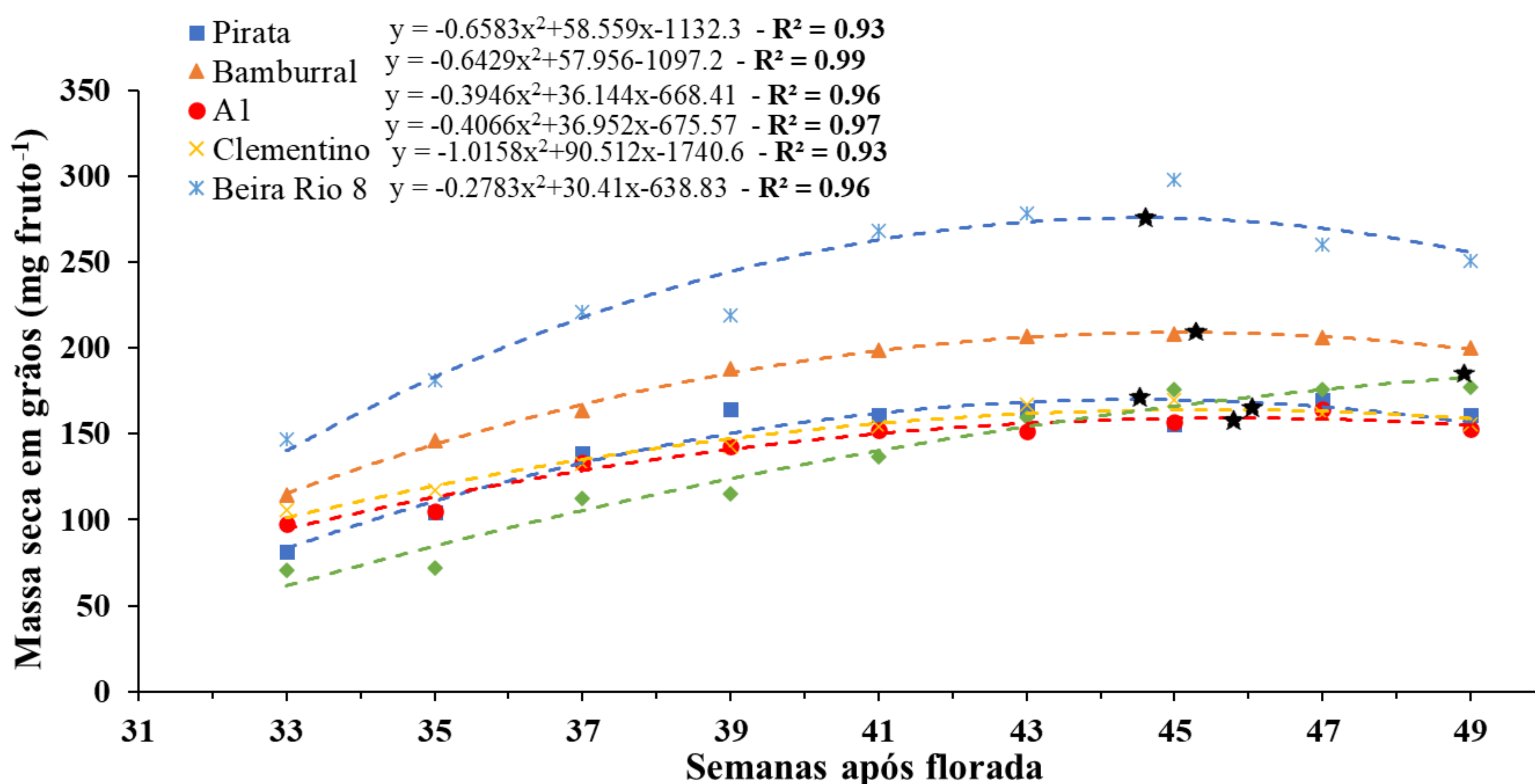


Figura 1. Massa seca de grãos (mg fruto⁻¹) de seis genótipos (Pirata, Bamburral, A1, Clementino, Beira Rio 8 e P1) de *Coffea canephora* coletados do final da expansão dos frutos até o amadurecimento completo (33, 35, 37, 39, 41, 43, 45, 47 e 49 semanas após a florada). Linhas tracejadas, equações e R² representam regressão polinomial ajustada a cada genótipo. Estrelas pretas em linhas tracejadas representam o ponto estimado para o máximo acúmulo de massa seca de grão.

AGRADECIMENTOS

